

Taulukko 1. Sikaperäisten influenssa A/H1N1-virusten ja kauden 2008-2009 H1N1-rokoteviruksen geneettinen sukulaisuus.

Homologia %	A/California/04/2009 (H1N1)									
	PB1	PB2	PA	NP	NS		M		HA	NA
					NS1	NEP/NS2	M1	M2		
A/Denmark/513/2009 (H1N1)	-	-	-	-	100 %	100 %	100 %	100 %	99,5 %	100 %
A/Mexico/InDRE4487/2009 (H1N1)	100 %	99,9 %	99,7 %	100 %	100 %	100 %	100 %	100 %	99,5 %	100 %
A/Canada-ON/RV1527/2009 (H1N1)	100 %	100 %	99,9 %	99,8 %	99,5 %	100 %	99,6%	100 %	99,3 %	99,6 %
A/Castilla-La Mancha/GP9/2009 (H1N1)	-	-	-	100 %	100 %	100 %	100 %	100 %	-	-
A/Stockholm/28/2009 (H1N1)	-	-	-	-	-	-	100 %	98,9 %	-	100 %
A/Brisbane/59/2007 (H1N1)	-	-	-	-	-	-	93,3	81,4 %	79,5%	81,4%
A/England/557/2007 (H1N1)	94,5 %	94,2 %	94,4 %	90,2 %	79,5	86 %	93,7	81,4 %	79,5%	81,4%

A/Denmark/513/2009, A/Mexico/InDRE4487/2009, A/Canada-ON/RV1527/2009, A/Castilla-La Mancha/GP9/2009 ja A/Stockholm/28/2009 edustavat sikaperäisiä influenssa A/H1N1-viruskantoja A/Brisbane/59/2007 on vuoden 2008 ja 2009 H1N1-rokoteviruskanta ja A/England/557/2007 edustaa Brisbane-linjan Eurooppalaista viruskanta.